

Table 1

Fragment	Size	PRIMERS (5' TO 3')	LOCATION
<b>Inhibin Alpha</b>			
<i>INH<math>\alpha</math></i>	601bp	For GCTGCTGCGCTGTCCCCTCTGTA (SEQ ID NO:10) Rev TATTTCCCAACTCTGCCTTTCCTC (SEQ ID NO:11)	732... 754 1332... 1309
<i>INH<math>\alpha</math>1</i>	243bp	For GGCCCACACTCGGACCAGAC (SEQ ID NO:12) Rev AGCCCACAACCACCATGACAGTAG (SEQ ID NO:13)	792...811 1034...1011
<i>INH<math>\alpha</math>2</i>	139bp	For GCTGGGCTGGGAACGGTGGAT (SEQ ID NO:14) Rev GGAGTAGGGCTGGGCTGGGGTAGG (SEQ ID NO:15)	963...983 1101...1078
<i>INH<math>\alpha</math>3</i>	254bp	For CTACCCCAGCCCAGCCCTACTCCT (SEQ ID NO:16) Rev TATTTCCCAACTCTGCCTTTCCTG (SEQ ID NO:17)	1079...1102 1332...1309
<b>Inhibin Beta A</b>			
<i>INH<math>\beta</math>A</i>	529bp	For CTGGGCAAGAAGAAGAAGAAAGAA (SEQ ID NO:18) Rev CCTGGGCTGGGCAACTC (SEQ ID NO:19)	1005...1028 1533...1517
<i>INH<math>\beta</math>A1</i>	302bp	For GCAGGAGCAGATGAGGAAAAGGGAG (SEQ ID NO:20) Rev CGCATGCGGTAGTGGTTGAT (SEQ ID NO:21)	1017...1094 1372...1253
<i>INH<math>\beta</math>A2</i>	268bp	For GGCACGTCCGGGTCCTCACTG (SEQ ID NO:22) Rev TCTTCATTTTGCCACTGTCTTCTC (SEQ ID NO:23)	1314...1334 1581...1558
<b>Inhibin Beta B</b>			
<i>INH<math>\beta</math>B</i>	586bp	For CGTGGTGCCGGTGTTCTGTGGAC (SEQ ID NO:24) Ref CTCCACAGCCCAACAGAATGACT (SEQ ID NO:25)	617...638 1185...1163
<i>INH<math>\beta</math>B1</i>	202bp	For CGTGGTGCCGGTGTTCTGTGGAC (SEQ ID NO:26) Rev GCCGGTGGGTGCTATGAT (SEQ ID NO:27)	617...638 1185...1163
<i>INH<math>\beta</math>B2</i>	218bp	For GCACCCACCGGCTACTACG (SEQ ID NO:28) Rev TCCCGCTTGACGATGTTGT (SEQ ID NO:29)	807...825 1024...1006
<i>INH<math>\beta</math>B3</i>	241bp	For AACTCCTGCTGCATTCCACCAA (SEQ ID NO:30) Rev CTCCACAGCCCAACAGAATGACT (SEQ ID NO:31)	945...967 1185...1163